



# Браузер как платформа для “тяжелых” приложений



## О авторах

### **Иван Затравкин**

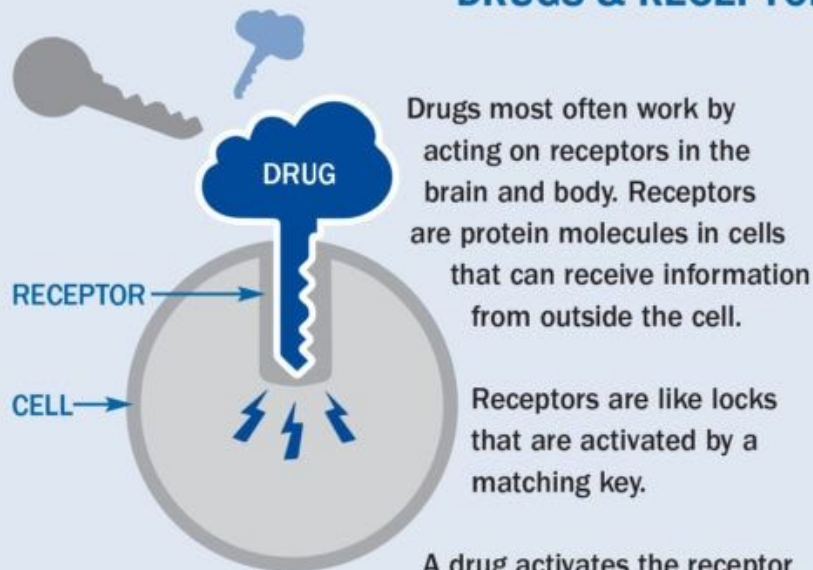
Тех лид, любитель поделиться знаниями,  
в свободное время пишу игры.



## О чем будем говорить?

- Формат: case-study
- История проекта
- Эволюция решений
- Что не взлетело
- Итоги

## DRUGS & RECEPTORS: HOW DRUGS WORK



Drugs most often work by acting on receptors in the brain and body. Receptors are protein molecules in cells that can receive information from outside the cell.

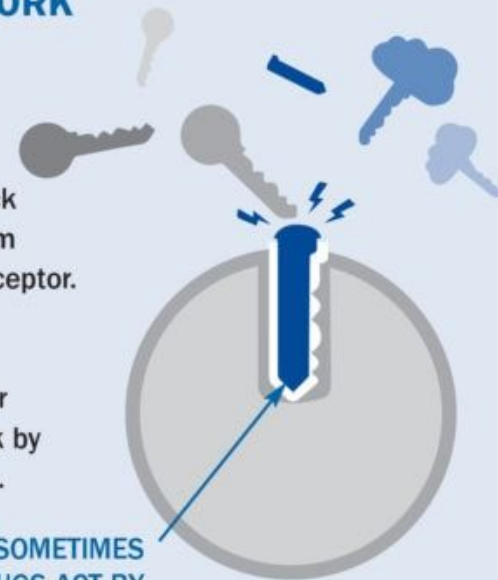
Receptors are like locks that are activated by a matching key.

A drug activates the receptor by binding to it. The activated receptor then sends signals to the cell in response to the drug.

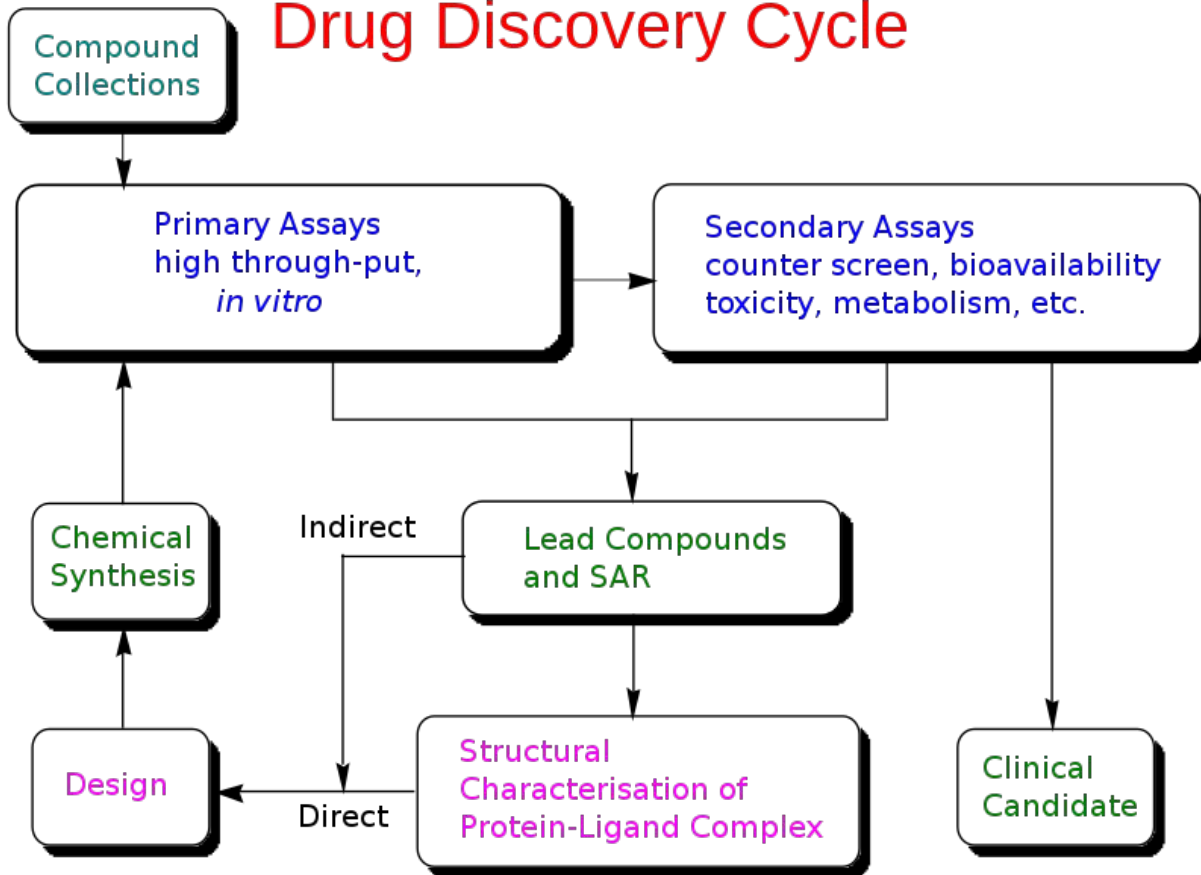
Sometimes a drug fits into a receptor but only acts to block other molecules from binding with that receptor.

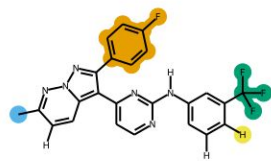
Neurotransmitters, hormones, and other molecules also work by binding to receptors.

**SOMETIMES  
DRUGS ACT BY  
BLOCKING  
A RECEPTOR.**

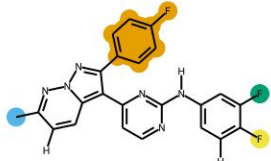


# Drug Discovery Cycle

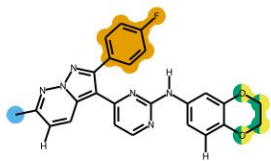




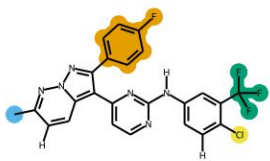
CHEMBL182493



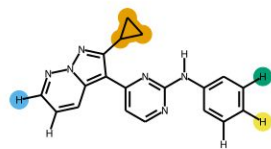
CHEMBL182326



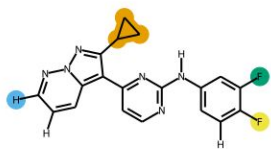
CHEMBL183064



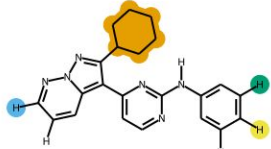
CHEMBL361038



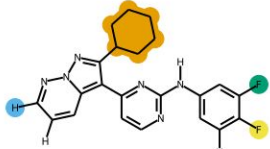
CHEMBL362296



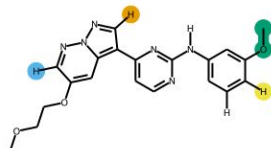
CHEMBL185516



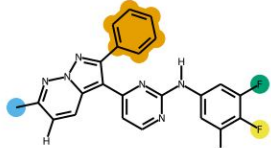
CHEMBL273870



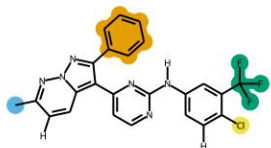
CHEMBL185044



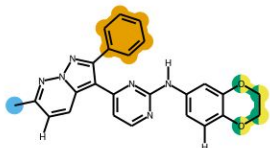
CHEMBL180593



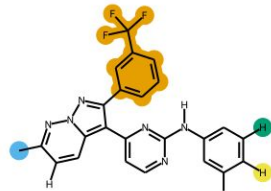
CHEMBL364197



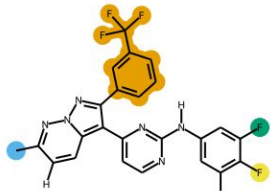
CHEMBL186010



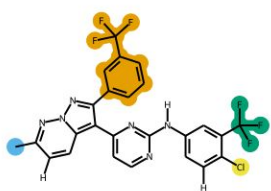
CHEMBL361723



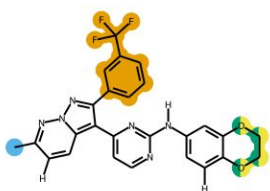
CHEMBL364539



CHEMBL186195



CHEMBL184657



CHEMBL189617



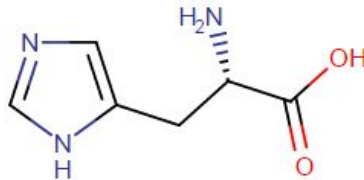
Set available calculations

- Names and Identifiers
- Elemental Analysis
- logP
- logD
- pKa
- Major Microspecies
- Isoelectric Point
- H-bond Donor/Acceptor
- Solubility
- Tautomerization
- Stereoisomers
- Charge
- Polarizability
- Topological Polar Surface Area
- Topology Analysis
- Compliance Checker

Done

Property Viewer

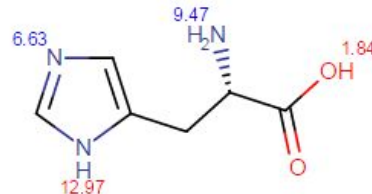
Structure



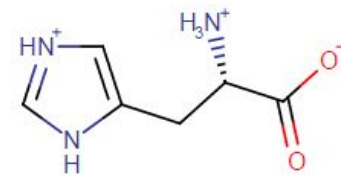
Names and Identifiers

IUPAC	(2S)-2-amino-3-(1H-imidazol-5-yl)propanoic acid
Common names	S-histidine; (S)-1H-imidazole-4-alanine; histidinum; L-β-(4-imidazolyl)alanin; istidina; His; (S)1H-imidazole-4-alanine; histidine, L-; 1H-imidazole-4-alanine, (S)-; L isomer histidine; amino-4-imidazoleproprionate; L-isomer histidine; glyoxaline-5-alanine; anti-rheuma; histidine, L isomer; L-β-(4-imidazolyl)-α-alanin; histidine, L-isomer
SMILES	<chem>N[C@@H](CC1=CN=CN1)C(O)=O</chem>
InChI	InChI=1S/C6H9N3O2/c7-5(6(10)11)1-4-2-8-3-9-4/h2-3,5H,1,7H2,(H,8,9)(H,10,11)/t5-m/s1

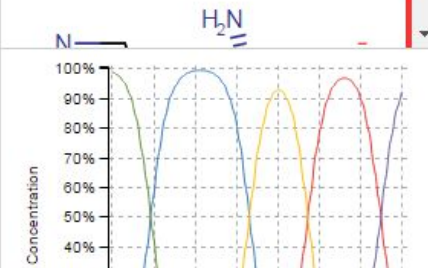
pKa

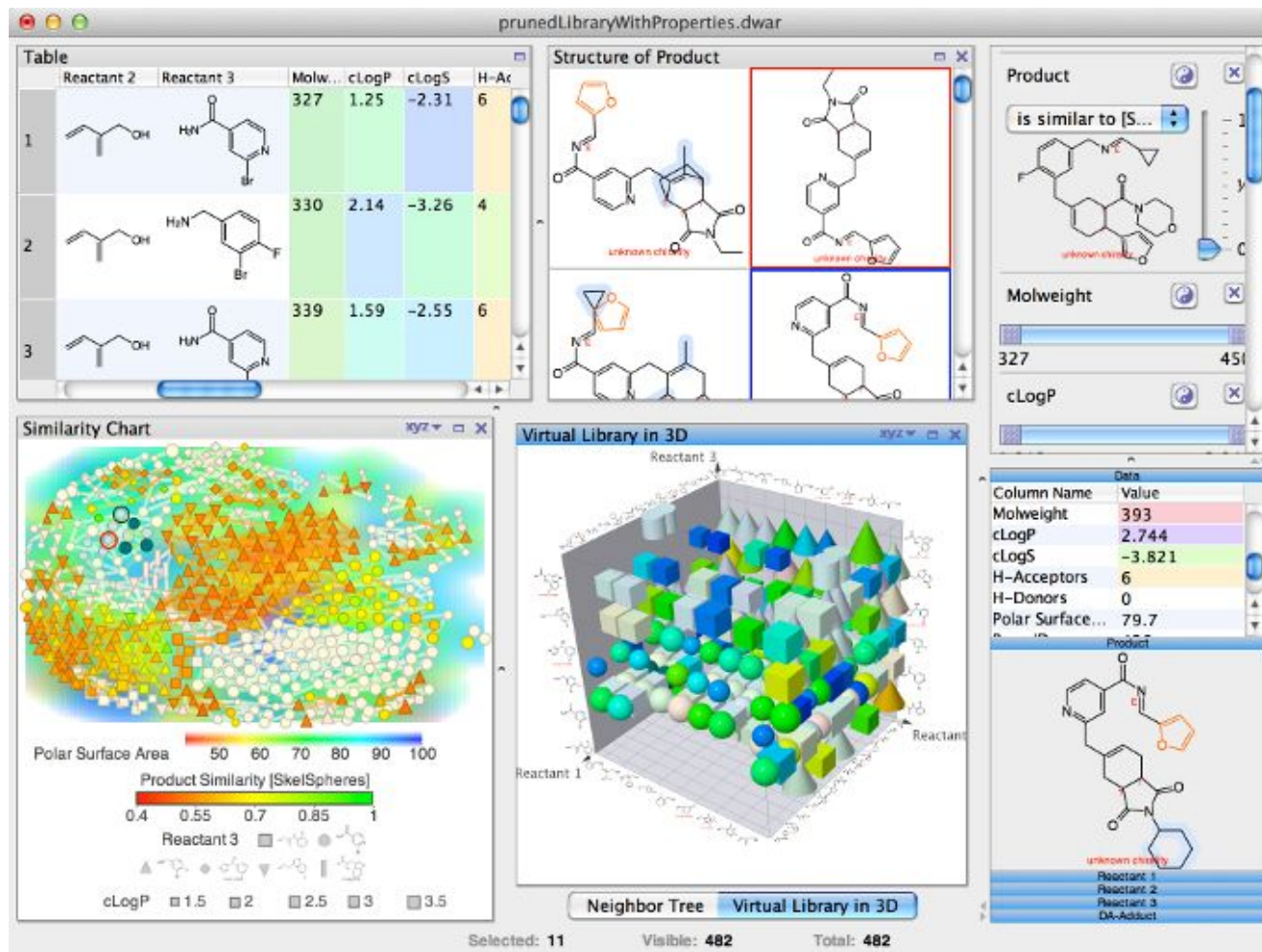


Microspecies



Microspecies 1









## О проекте - с чего начинаем

- JS образца 2014 года
- Bower - менеджер пакетов
- Gulp для сборки
- Vanilla JS для интерфейса
- Pixi.js для графиков
- D3 для расчёта координат



## Прежде чем начать рефакторинг

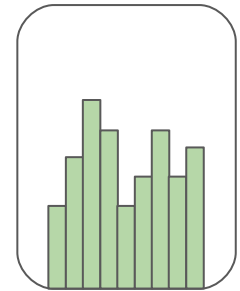
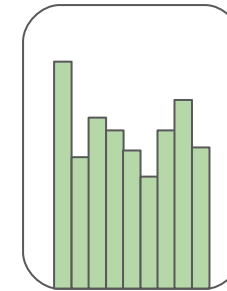
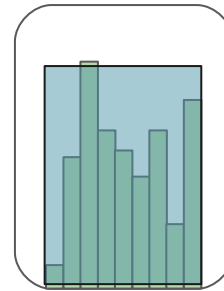
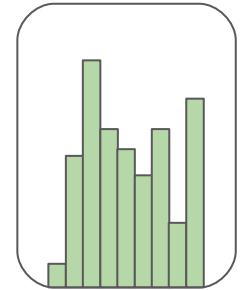
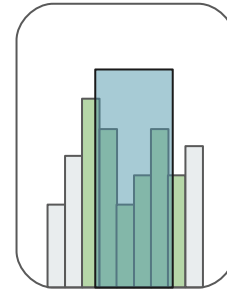
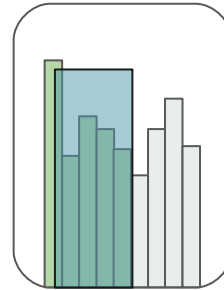
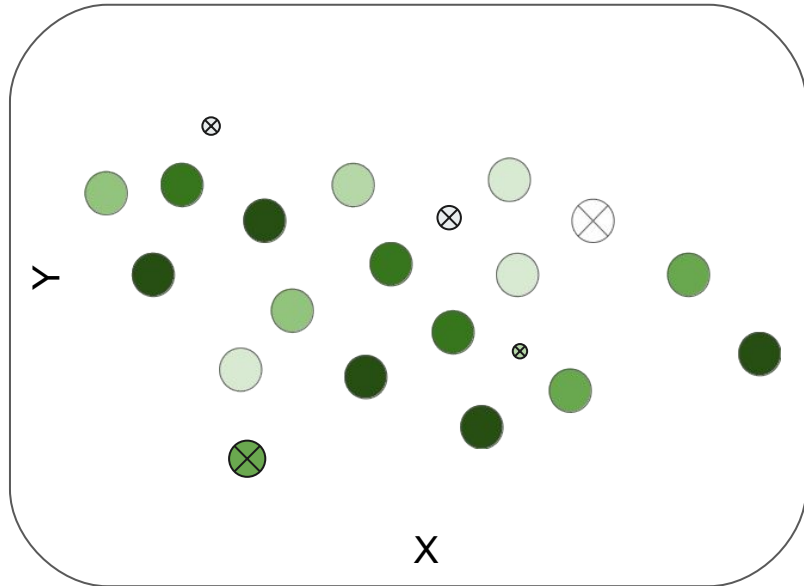
- Разбиваем приложение на функциональные части
  - Система фильтрации
  - Визуализация
  - Хим-информатика
- Описываем интерфейсы их взаимодействия

---

# Система фильтрации



# Система фильтрации





## Система фильтрации - задача

- Производительность на большом количестве измерений
- Производительность на большом количестве точек
- Больше форматов данных: строки, химические структуры, булины
- Поддержка записи, не только чтения



## Система фильтрации - можно ли быстрее

- Начальная точка - 0.1 FPS на 100к молекул
- 1Ghz =  $1e9$  операций в секунду
- Количество операций постоянно с числом элементов
- 100 операций на один элемент
- 100 000 молекул
- $1e9/1e2/1e5 = 1e2 = 100$  FPS
- 4 фильтра сразу ->  $100 \text{ fps} / 4 = 25$



# Fermi Estimate

<https://brilliant.org/wiki/fermi-estimate/>





# Интерфейс

```
type Data = {  
  value: number;  
};
```

```
type Row = readonly [{ id: number }, ...Data[]];
```

```
type Column = {  
  id: number;  
  name: string;  
  idx: number;  
};
```

```
type Dataset = {  
  columns: Column[];  
  rows: Row[];  
};
```

```
type Filter = {  
  column: number;  
  min: number;  
  max: number;  
  includeMin: boolean;  
  includeMax: boolean;  
};
```





# Система фильтрации - SQL

Используем стандарт фильтрации данных: SQL

```
type Filter = {  
  column: number;  
  min: number;  
  max: number;  
  includeMin: boolean;  
  includeMax: boolean;  
};
```

—————→ `SELECT * FROM data WHERE `${column}` > `${min}``



# Система фильтрации - SQL

1 FPS



## Система фильтрации - JS

```
const filterData = (dataset: Dataset, filters: Filter[]) => {  
  return dataset.rows.filter((row) => {  
    return filters.every((filter) => {  
      const value = (row[filter.column]).value;  
      return (  
        (filter.includeMin ? value >= filter.min : value > filter.min) &&  
        (filter.includeMax ? value <= filter.max : value < filter.max)  
      );  
    });  
  });  
};
```

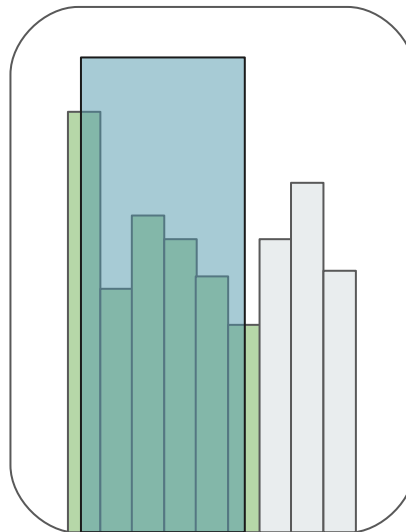


## Система фильтрации - JS

10 FPS

# Система фильтрации - большие датасеты

Можно пересчитывать только границы.



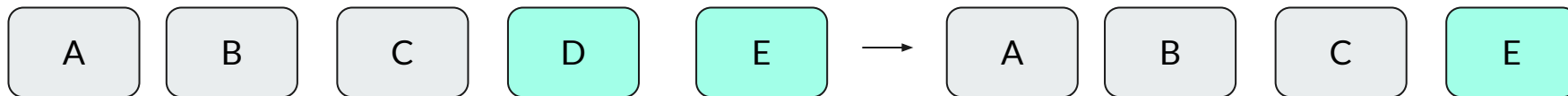


## Система фильтрации - большие датасеты

10 FPS -> 60 FPS

## Система фильтрации - добавление колонок

```
type Row = readonly [{ id: number }, ...Data[]];
```





## Система фильтрации - колоночная БД

```
type AllData = Row[ ]
```



```
type AllData = {  
  [column: string]: Value[ ]  
}
```





# Система фильтрации

- Как уведомлять React о мутациях?
- Создавать новый массив данных - дорого
- Proxy!

```
private originalData
```

```
public data = new Proxy(originalData, {})
```



## Система фильтрации - Итог

- Попробовали SQL: 0.1fps -> 1 fps
- Простое решение на JS: 1 fps -> 10 fps
- Пересчёт границ: 10 fps -> 60 fps
- Перешли на колоночную структуру для лёгких мутаций
- Переиспользуем память через Proxy

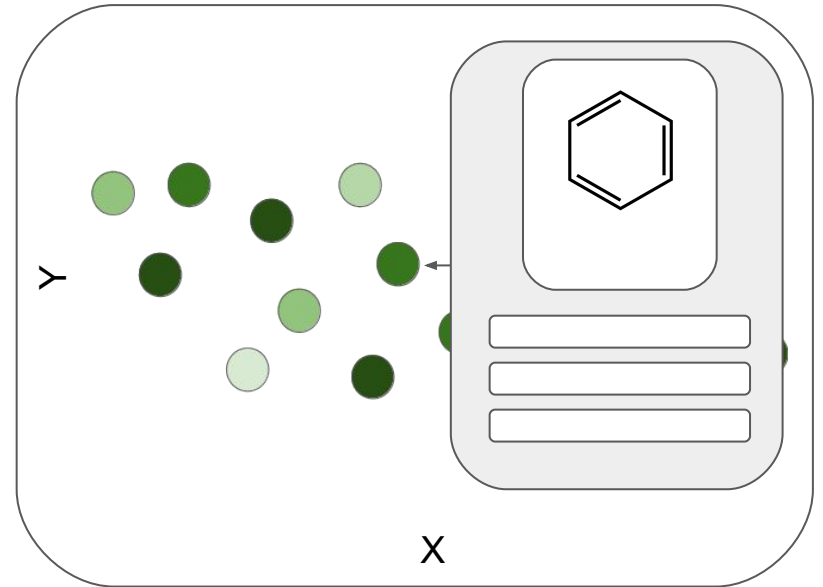
---

# Визуализация

# Визуализация

Задача:

- Отобразить интерактивный график с точками
- Точки могут исчезать/видоизменяться во время фильтрации



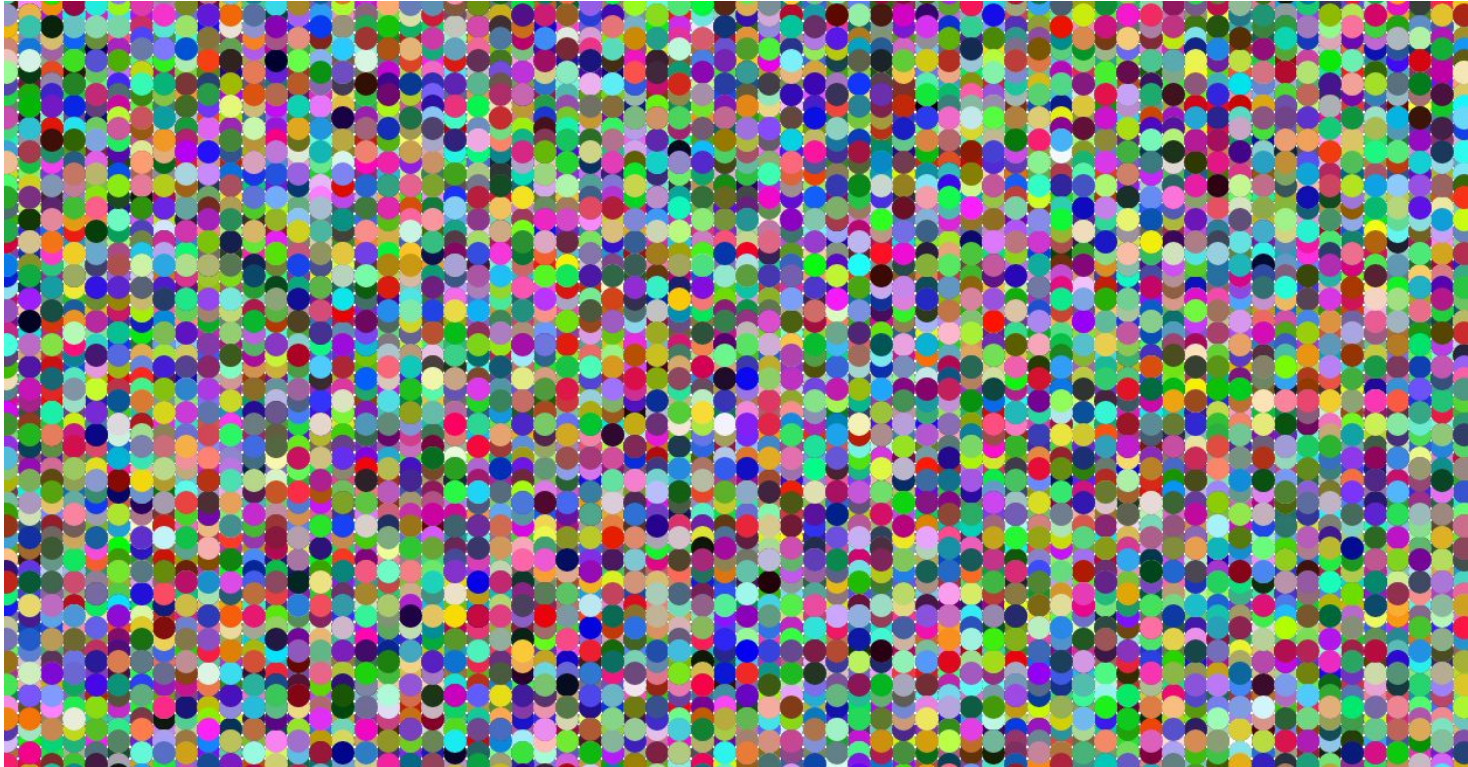


## Визуализация - что есть изначально

- Решение на PixiJS
- Sprite для каждой точки
- В Sprite рисуется Graphics с кругом
- На 100к точек 100% загрузка CPU и 10 FPS при интерактиве
- 1 ГБ потребление памяти на 100к точек при 4 графиках
- 5 секунд на добавление нового графика при 100к точек

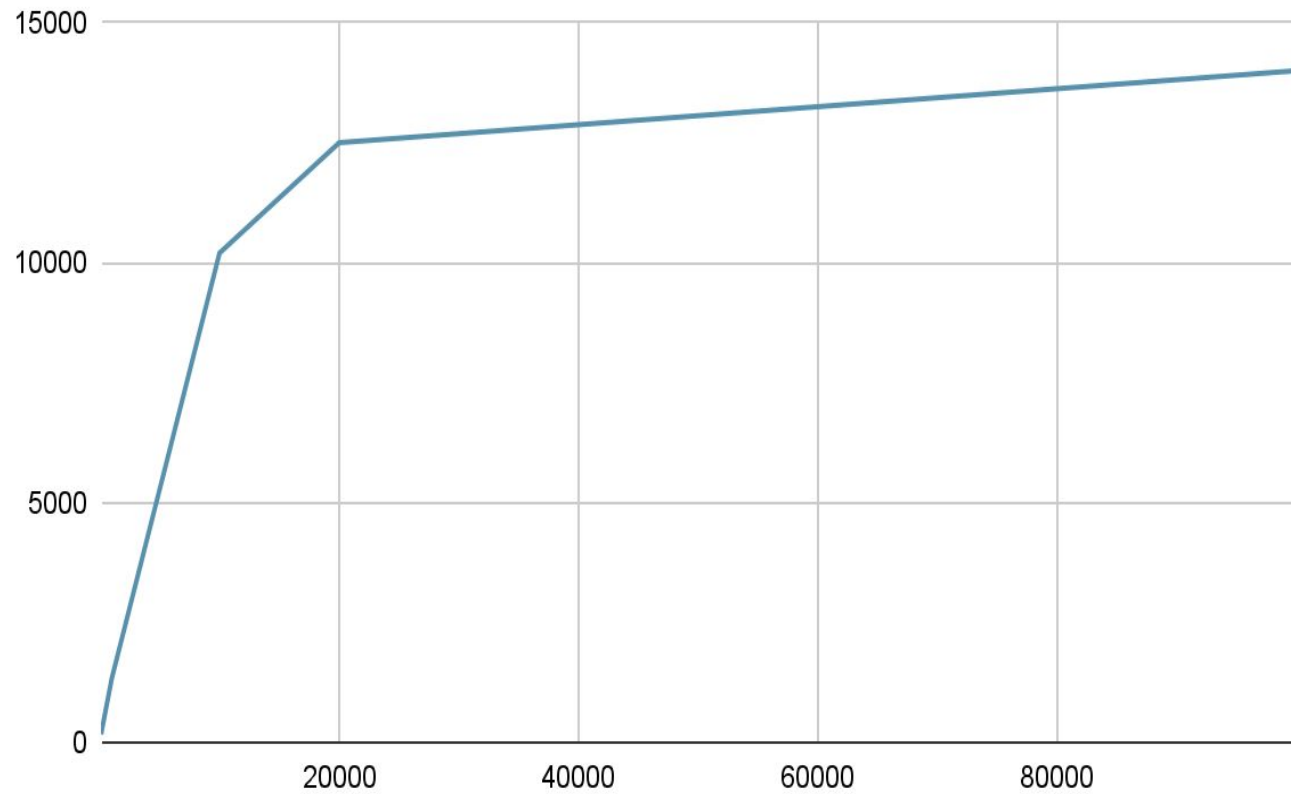
---

## Визуализация - интерактив



На что наведена мышка?

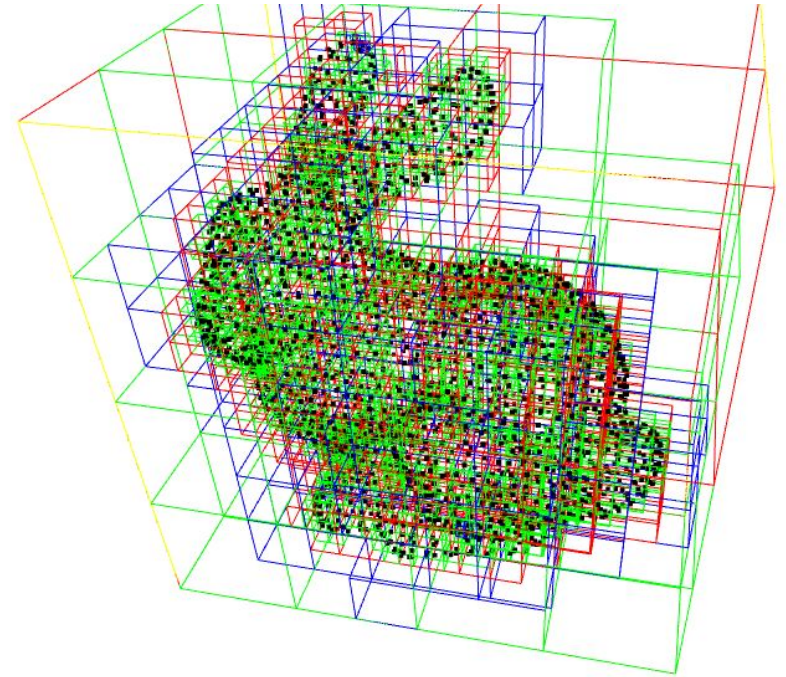
## Milliseconds to complete 10000 elementFromPoint



Браузеру тоже сложно

# Визуализация - интерактив

Пространственные структуры данных



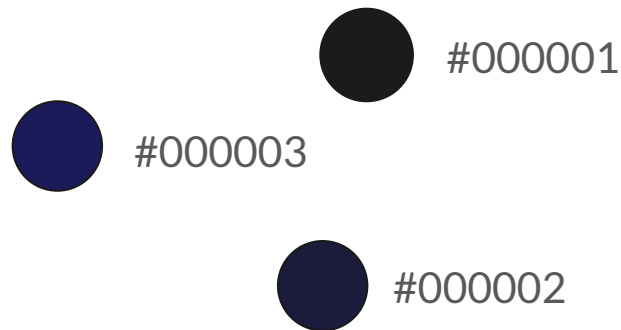
<https://observablehq.com/@2talltim/spatial-data-structures-octrees-bsp-and-k-d-trees>





# Визуализация - интерактив

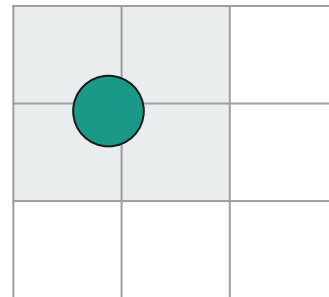
Рендер ID в текстуру



<https://webglfundamentals.org/webgl/lessons/webgl-picking.html>

# Визуализация - интерактив

- Сетка
- Простота реализации
- Эффективно по памяти - 10к массивов для графика 1000x1000
- 60 FPS при 1% загрузке CPU





## Визуализация - медленное добавление графиков

- Добавление графика на 100к точек занимает 5 секунд
- Основное время идёт на инициализацию объектов
- Мы можем переиспользовать объекты - Object Pool



## Визуализация - потребление памяти

- 1 GB на 4 графика по 100к точек
- 250 MB на график
- $1e5$  точек
- 2 float на координаты, 1 на цвет, 1 на размер
- 1 float = 4 byte
- $1e5 * 6 * 4 \approx 2.4e6 \approx 2.4 \text{ MB}$



## Визуализация - WebGL

- Считаем координаты точек с помощью d3.js на CPU
- Передаем координаты на GPU
- В фрагментном шейдере рисуем круг - `step(radius, distance(point, center))`



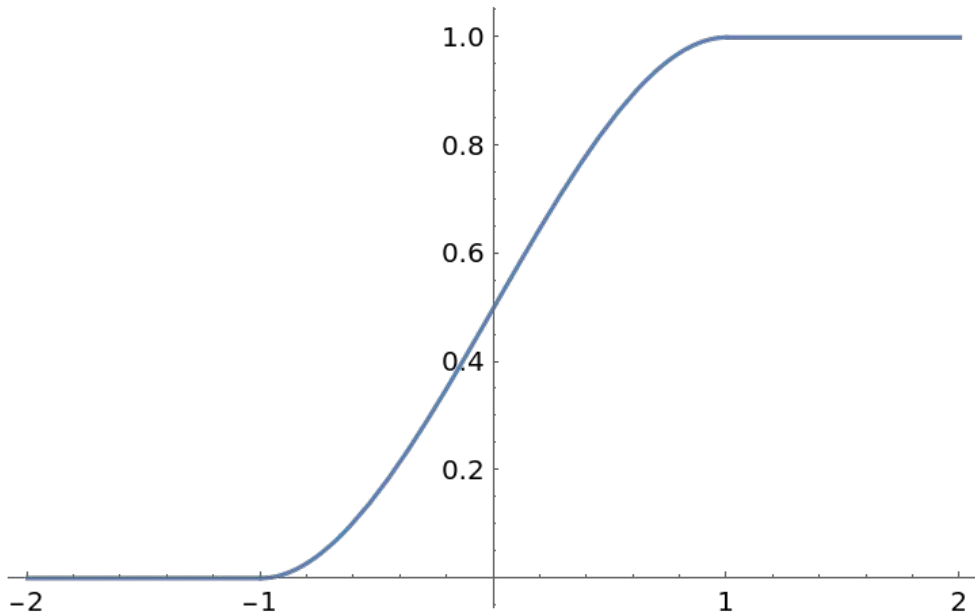
# Визуализация - WebGL

Раньше было лучше



# Визуализация - WebGL

```
smoothstep(radius, radius + 0.005, len);
```





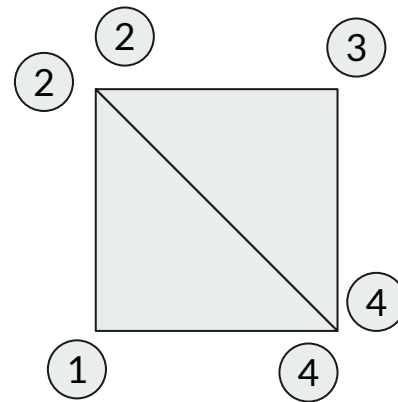
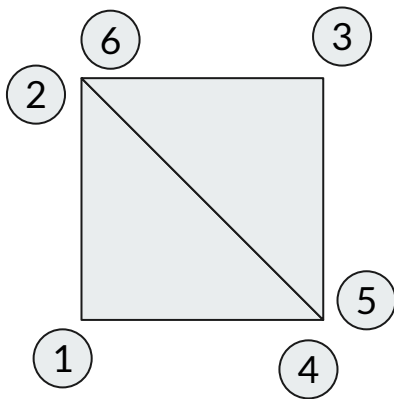
# Визуализация - WebGL

Большое количество точек работает медленно



# Визуализация

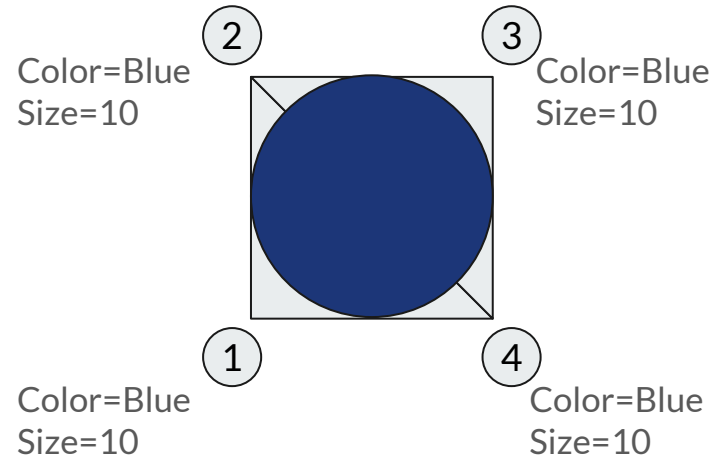
drawElements позволяет переиспользовать общие вершины



<https://webglfundamentals.org/webgl/lessons/webgl-indexed-vertices.html>

# Визуализация

Дублирование данных

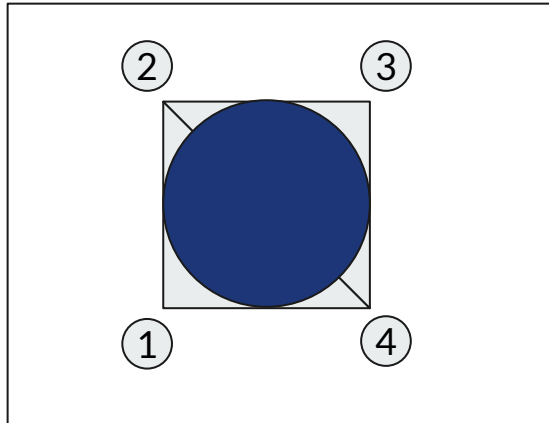


# Визуализация

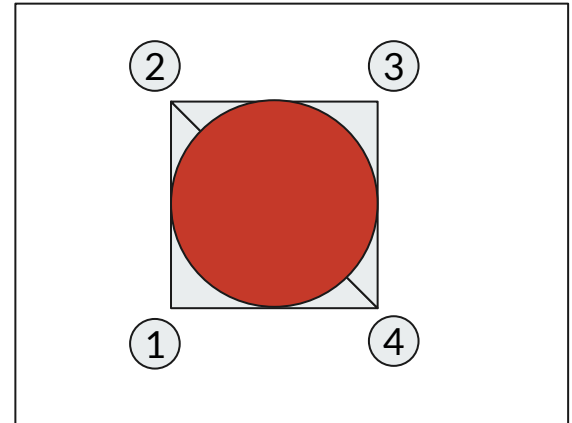
drawElementsInstanced

40 FPS

Color=Blue  
Size=10




Color=Red  
Size=10



A young boy with brown hair and blue eyes is looking up at an adult whose face is partially visible in the top left corner. The background is a soft, out-of-focus green.

**IT WORKS ON MY MACHINE**

Johnny Depp is shown from the chest up, looking down with a serious expression at a child whose head is visible in the bottom right corner. The background is a soft, out-of-focus green.

**THEN WE'LL SHIP YOUR MACHINE**



# Визуализация

**WARNING: Too many active WebGL contexts. Oldest context will be lost.**

Ограниченное количество WebGL контекстов

Использование общего контекста для всех графиков.



# Визуализация

ERROR: Too many attributes

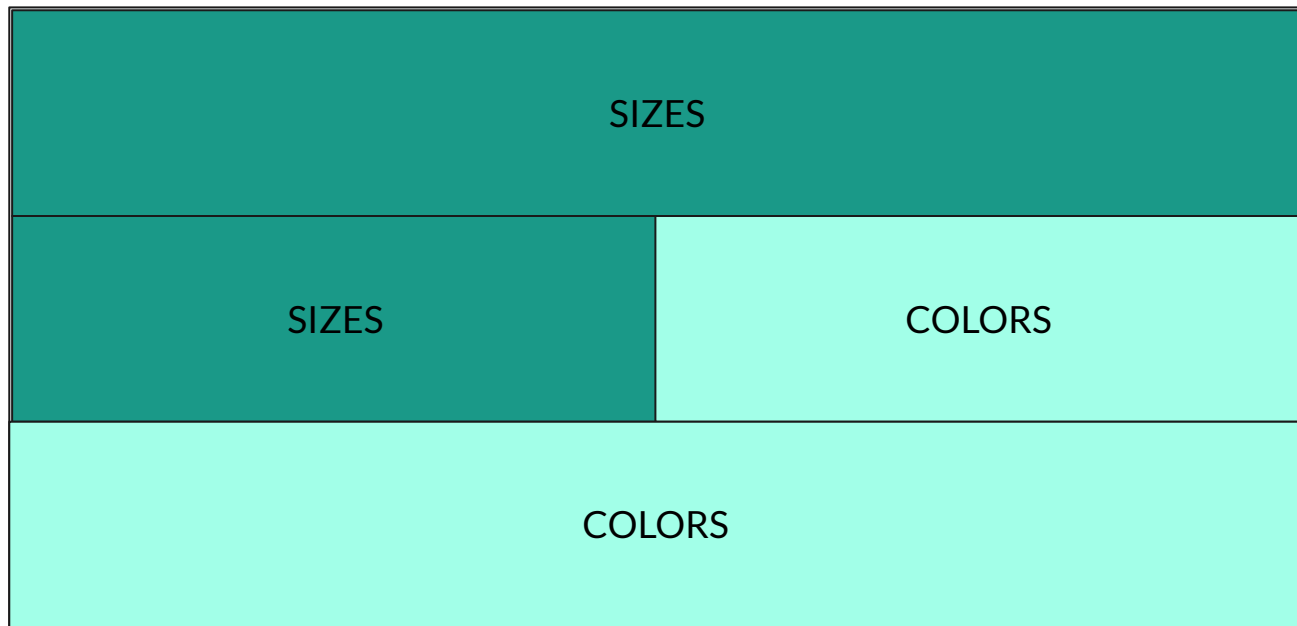
```
gl.getParameter(gl.MAX_VERTEX_ATTRIBS) -> 8
```

Packing data in textures!



# Визуализация - Texture Packing

TIP: use  $2^N$  size





## Визуализация - Итог

- Реализовали интерактив с помощью сетки
- Написали рендер на WebGL
- Получилось быстро
- После оптимизаций - быстро и на больших наборах данных
- Проблемы с драйверами видеокарты теперь и в браузере
- Safari - боль
- Обзавелись парком устройств для тестирования
- Интеграционное тестирование - сложно

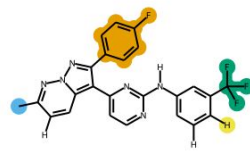


---

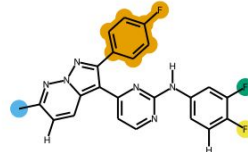
# Химинформатика

# Химинформатика

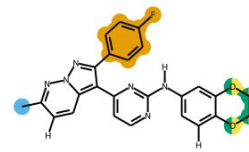
- Фильтрация по структуре
- Подсветка фрагментов
- Расчёт свойств
- Декомпозиция



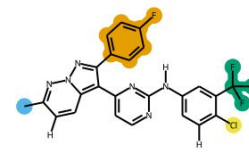
CHEMBL182493



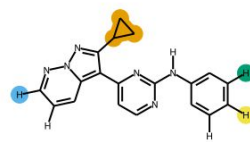
CHEMBL182326



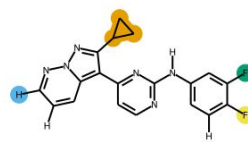
CHEMBL183064



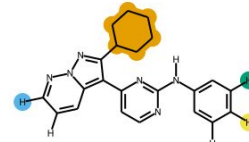
CHEMBL361038



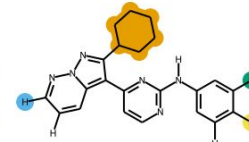
CHEMBL362296



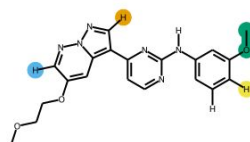
CHEMBL185516



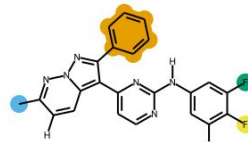
CHEMBL273870



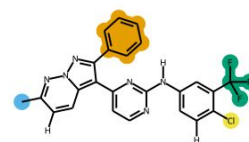
CHEMBL185044



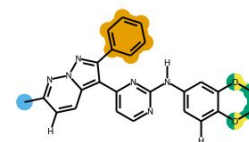
CHEMBL180593



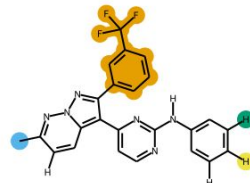
CHEMBL364197



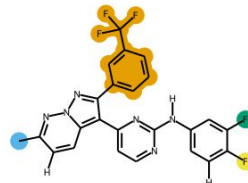
CHEMBL186010



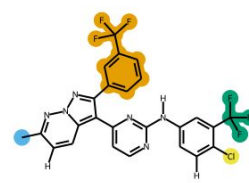
CHEMBL361723



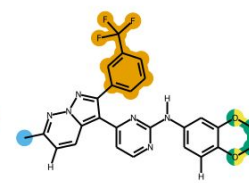
CHEMBL364539



CHEMBL186195



CHEMBL184657



CHEMBL189617



# Химинформатика - RDKit

@rdkit/rdkit

## INDEX

### Interfaces

**I** JSMol

**I** RDKitModule

**I** SubstructLibrary

**I** SubstructLibraryConstructor

### Type Aliases

**T** JSONString

**T** RDKitLoader

**T** RDKitLoaderOptions

# Химинформатика

```
using namespace emscripten;
▼ EMSCRIPTEN_BINDINGS(RDKit_minimal) {
    register_vector<std::string>("StringList");

    class_<JSMol>("Mol")
        .function("is_valid", &JSMol::is_valid)
        .function("has_coords", &JSMol::has_coords)
        .function("get_smiles", &JSMol::get_smiles)
        .function("get_cxsmiles", &JSMol::get_cxsmiles)
        .function("get_smarts", &JSMol::get_smarts)
        .function("get_cxsmarts", &JSMol::get_cxsmarts)
        .function("get_molblock",
            select_overload<std::string() const>(&JSMol::get_molblock))
        .function("get_molblock",
            select_overload<std::string(const std::string &) const>(&JSMol::get_molblock))
}
```



# Химинформатика - emscripten

Доступ к функциям из C++ в браузере

```
#include <emscripten/bind.h>
using namespace emscripten;

float add(float a, float b) {
    return a + b;
}

EMSCRIPTEN_BINDINGS(my_module) {
    function("add", &add);
}
```




# Химинформатика

Сборка

```
./emcc app.cpp
```

The image features a central graphic consisting of several concentric circles. The outermost ring is a dark red, followed by a slightly lighter red ring, and then a dark blue/black center. Overlaid on this graphic is the text "That's all Folks!" written in a white, elegant cursive font. The text is positioned diagonally across the center of the circles.

*That's all Folks!*



# Химинформатика - обмен данными

- Обмен JSON между JS и WASM
- Мы используем <https://rapidjson.org/> на стороне C++
- Это неэффективно, но просто и быстро реализовать
- Лучший вариант возможен с protobuf





## Химинформатика - проблемы сборки

- Сборка занимает 15 минут
- Хранение артефакта в коде
- Параллельные пры ломают артефакт
- Браузерный кэш ломает артефакт

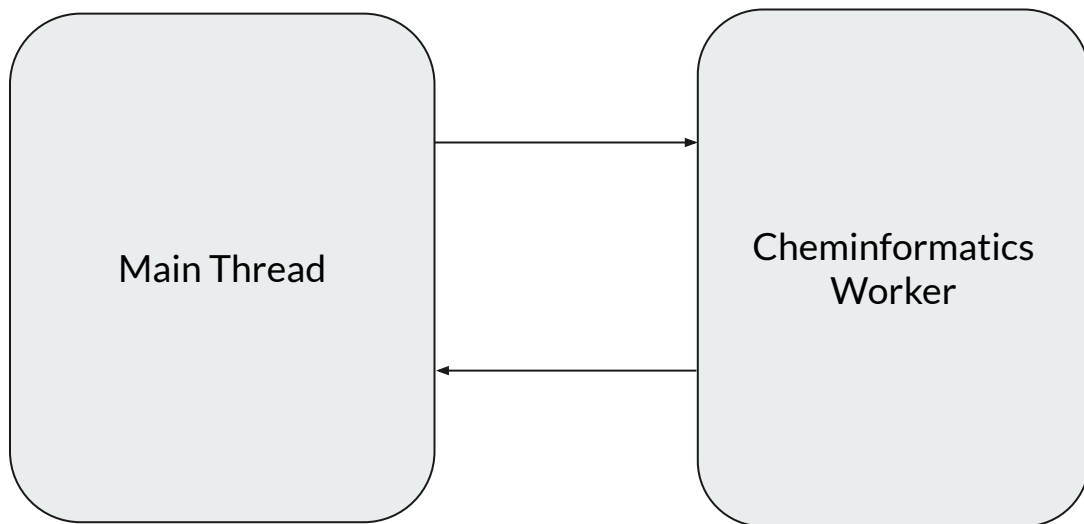


## Химинформатика - производительность

- Расчёт химических свойств занимает до 1 минуты
- Изображения молекул появляются с задержкой
- R-Group decomposition фризит интерфейс

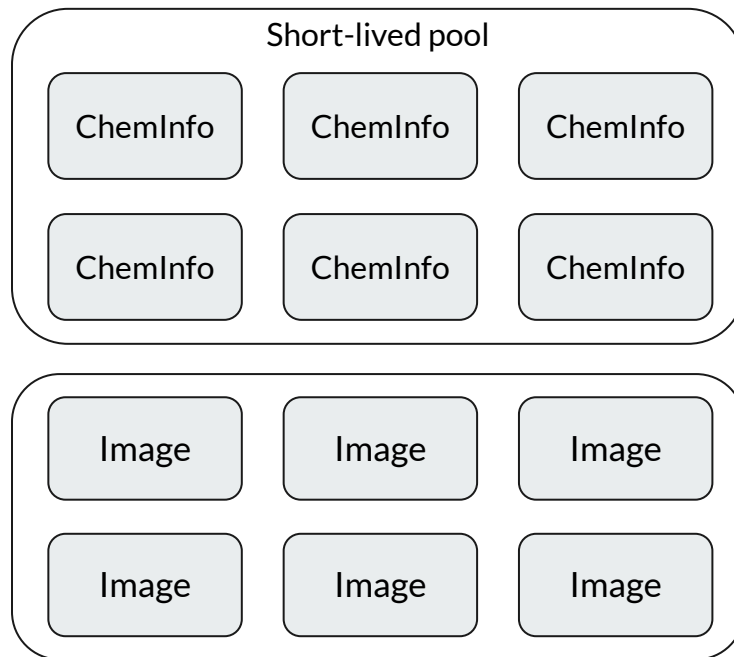
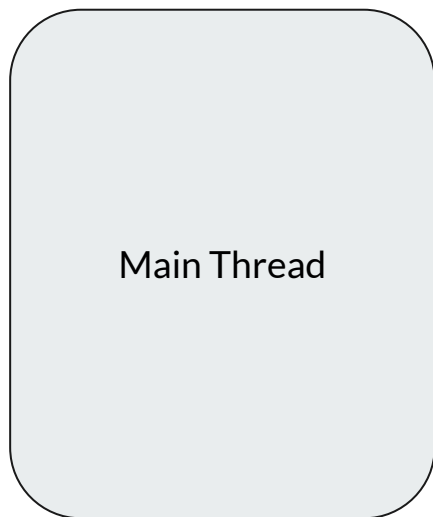


# Химинформатика - WebWorkers



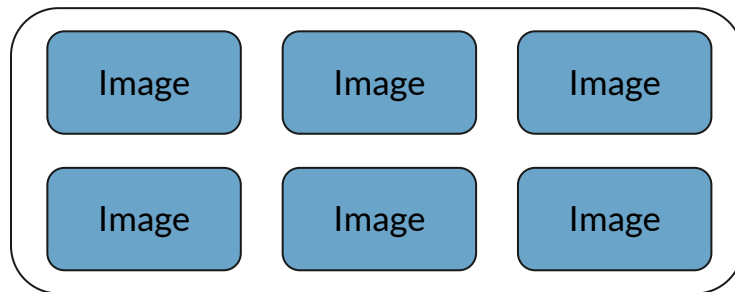
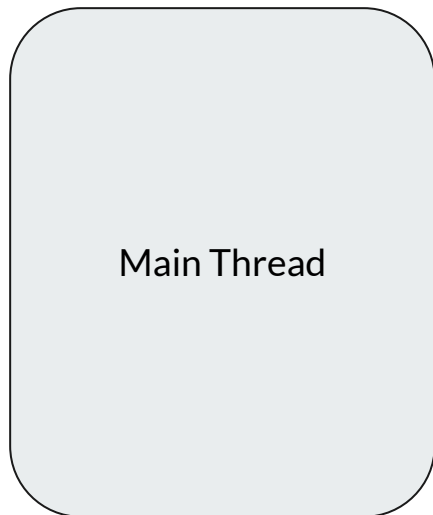


# Химинформатика - Worker Pools



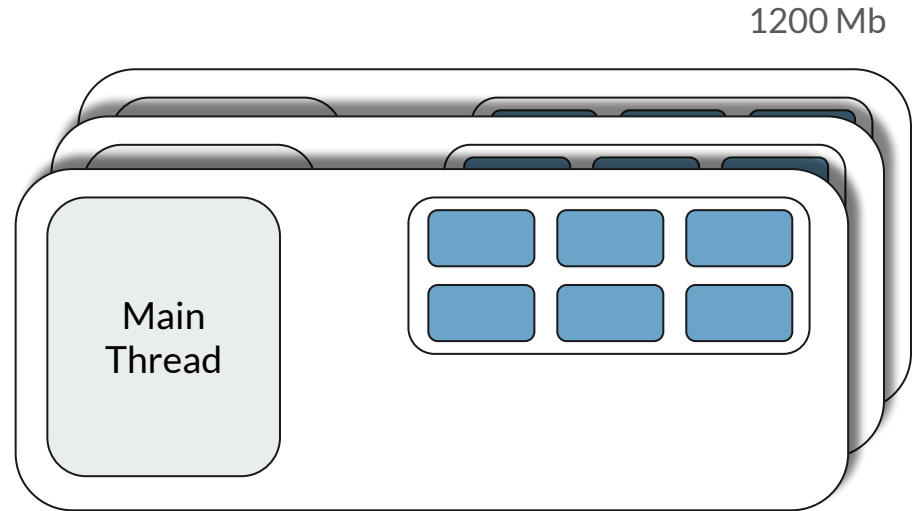


# Химинформатика - Worker Pools



400 Mb

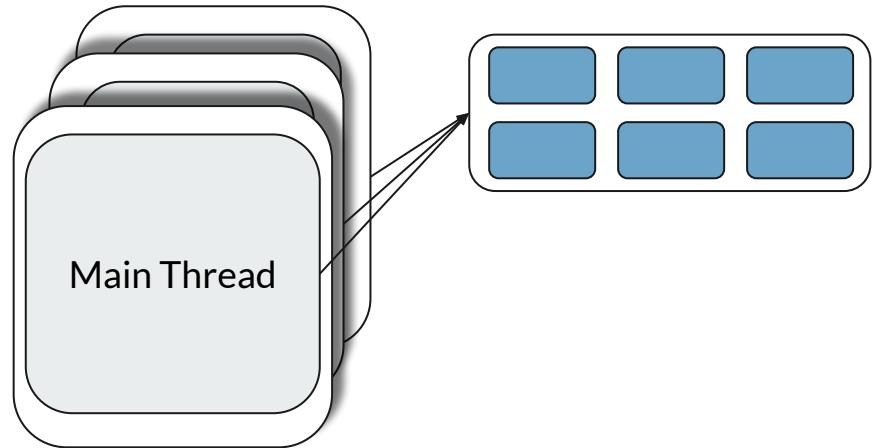
# Химинформатика - Worker Pools



# Химинформатика - Shared Workers

```
const imageWorker = new SharedWorker("worker.js?id=N");
```

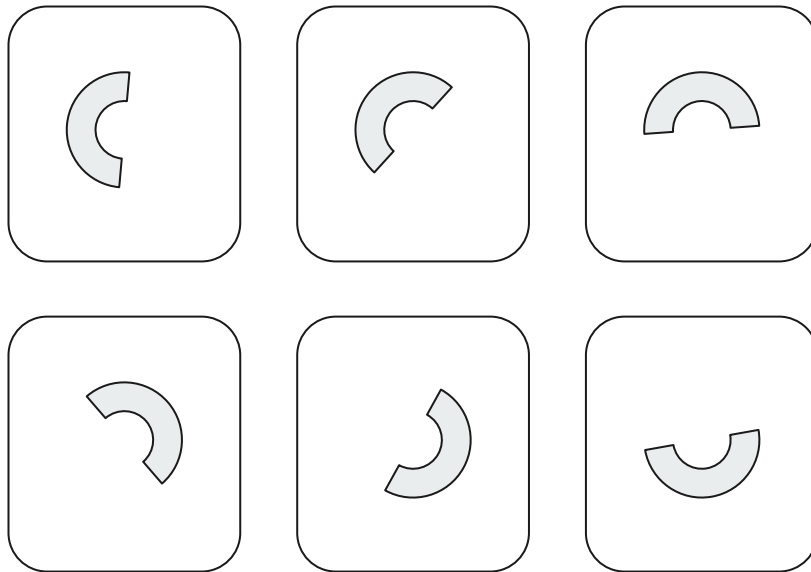
400 Mb





# Химинформатика - Image Worker

Зависшие спинеры из-за бэкграунд  
задач





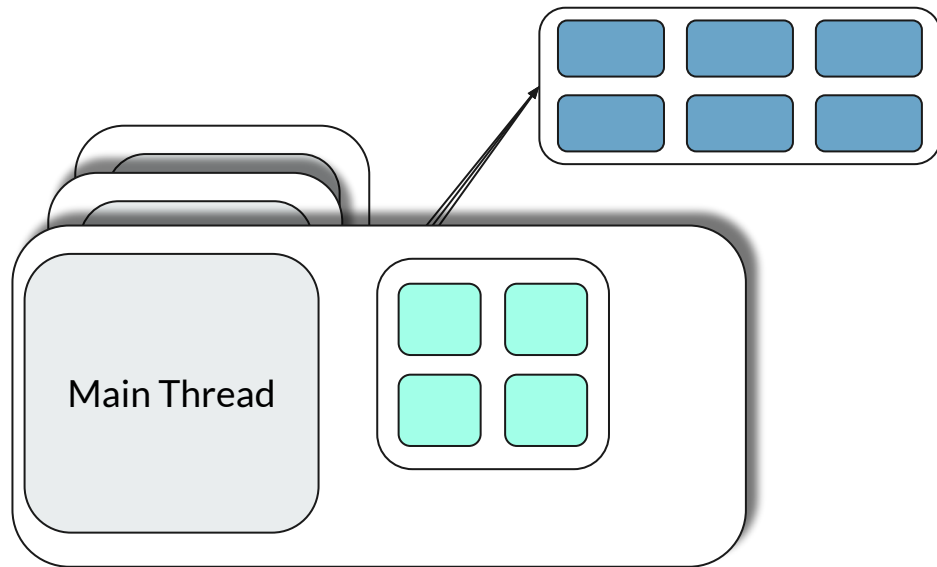


# Химинформатика - Read-Only replicas

- Для ускорения доступа к данным мы хотим создать Read-Only копии
- В emscripten прозрачно работает SharedArrayBuffer
- SharedArrayBuffer заблокирован CSP политиками
- Можно копировать память модуля руками

# Химинформатика - итоги

- WASM работает
- DX страдает
- Фичи
  - Рендер молекул
  - Поиск
  - Декомпозиция
  - Расчёт свойств





Что не получилось

## Фильтрация на SQL

- WebAssembly - виртуальная машина
- WebAssembly работает параллельно с JS (register pressure)
- Медленный обмен данными с JS



<https://www.usenix.org/system/files/atc19-jangda.pdf>



## Фильтрация данных в WebWorker

- Неподходящие интерфейсы (они синхронные)
- Дублирование данных на каждый воркер -> высокое потребление памяти
- Нужен общий кэш на все воркеры



## Фильтрация данных в WebGL

- Это быстро
- Но считать данные обратно медленно
- Считать данные -  $O(N)$ , фильтрация тоже  $O(N)$  и константа не сильно отличается
- Возможно в WebGPU будет лучше



# ИТОГИ



## Итоги

- Эффективно работаем с большими объемами данных
- Реализовали химинформатику внутри браузера
- Многопоточное приложение с сервисной архитектурой на клиенте в браузере



---

# Полезные материалы



# Полезные материалы

- WebGL
  - Branchless programming: <https://en.algorithmica.org/hpc/pipelining/branchless/>
  - Введение в WebGL: <https://webglfundamentals.org/>
  - Shadertoy: <https://www.shadertoy.com/>
  - Glsify: <https://github.com/glsify/glsify>
  - React Three Fiber: <https://docs.pmnd.rs/react-three-fiber>
- WebAssembly
  - Showcase: <https://madewithwebassembly.com/>
  - WebAssembly intro: <https://hacks.mozilla.org/category/code-cartoons/a-cartoon-intro-to-webassembly/>
  - WebAssembly performance: <https://www.usenix.org/system/files/atc19-jangda.pdf>
  - SIMD: <https://en.algorithmica.org/hpc/simd/>
  - UI: egui, blazer